

387	GAA GAT GCC CCA GTA GTT CTC TGG CTA CAG GGT GAG CCG GGA GGT TCA TCC ATG	396	405	414	423	432
	E D A P V V L W L Q G E P G S M					
441	TCT GGA CTC TTT GTG GAA CAT GGG CCT TAT GTT GTC ACA AGT AAC ATG ACC TTG	450	459	468	477	486
	F G L F V E H G P Y V V V T S N M T L					
495	CGT GAC AGA GAC TTC CCC TGG ACC ACA ACG CTC TCC ATG CTT TAC ATT GAC AAT	504	513	522	531	540
	R D R D F P W T T T L S M L Y I D N					
549	CCA GTG GGC ACA GGC TTC AGT TTT ACT GAT GAT ACC CAC GGA TAT GCA GTC AAT	558	567	576	585	594
	P V G G T G F S F T D D T H G Y A V N					
603	GAG GAC GAT GTA GCA CGG GAT TTA TAC AGT GCA CTA ATT CAG TTT TTC CAG ATA	612	621	630	639	648
	E D D V A R D L Y S A L I Q F Q I					
657	TCT CCT GAA TAT AAA AAT AAT GAC TTT TAT GTC ACT GGG GAG TCT TAT GCA GGG	666	675	684	693	702
	F P E Y K N N D F Y V T G E S Y A G					
711	AAA TAT GTG CCA GCC ATT GCA CAC CTC ATC CAT TCC CTC AAC CCT GTG AGA GAG	720	729	738	747	756
	K Y V P A I A H L I H S L N P V R E					

FIGURE 1B

765	774	783	792	801	810
GTC AAG ATC AAC CTG AAC GGA ATT GCT ATT GGA GAT GGA TAT TCT GAT CCC GAA					
V K I N L N G I A I G D G Y S D P E					
819	828	837	846	855	864
TCA ATT ATA GGG GGC TAT GCA GAA TTC CTG TAC CAA ATT GGC TTG TTG GAT GAG					
S I I G G Y A E F L Y Q I G L L D E					
873	882	891	900	909	918
AAG CAA AAA AAG TAC TTC CAG AAG CAG TGC CAT GAA TGC ATA GAA CAC ATC AGG					
K Q K K Y F Q K Q C H E C I E H I R					
927	936	945	954	963	972
AAG CAG AAC TGG TTT GAG GCC TTT GAA ATA CTG GAT AAA CTA CTA GAT GGC GAC					
K Q N W F E A F E I L D K L L D G D					
981	990	999	1008	1017	1026
TTA ACA AGT GAT CCT TCT TAC TTC CAG AAT GTT ACA GGA TGT AGT AAT TAC TAT					
L T S D P S Y F Q N V T G C S N Y Y					
1035	1044	1053	1062	1071	1080
AAC TTT TTG CGG TGC ACG GAA CCT GAG GAT CAG CTT TAC TAT GTG AAA TTT TTG					
N F L R C T E P E D Q L Y Y V K F L					
1089	1098	1107	1116	1125	1134
TCA CTC CCA GAG GTG AGA CAA GCC ATC CAC GTG GGG AAT CAG ACT TTT AAT GAT					
S L P E V R Q A I H V G N Q T F N D					

FIGURE 1C

1143	1152	1161	1170	1179	1188
GGA ACT ATA GTT GAA AAG TAC TTG CGA GAA GAT ACA GTA CAG TCA GTT AAG CCA					
G T I V E K Y L R E D T V Q S V K P					
1197	1206	1215	1224	1233	1242
TGG TTA ACT GAA ATC ATG AAT AAT TAT AAG GTT CTG ATC TAC AAT GGC CAA CTG					
W L T E I M N N Y K V L I Y N G Q L					
1251	1260	1269	1278	1287	1296
GAC ATC ATC GTG GCA GCT GCC CTG ACA GAG CGC TCC TTG ATG GGC ATG GAC TGG					
D I I V A A A L T E R S L M G M D W					
1305	1314	1323	1332	1341	1350
AAA GGA TCC CAG GAA TAC AAG AAG GCA GAA AAA AAA AAA GTT TGG AAG ATC TTT					
K G S Q E Y K K A E K K K V W K I F					
1359	1368	1377	1386	1395	1404
AAA TCT GAC AGT GGA GTG GCT GGT TAC ATC CGG CAA GTG GGT GAC TTC CAT CAG					
K S D S G G V A G Y I R Q V G D F H Q					
1413	1422	1431	1440	1449	1458
GTA ATT ATT CGA GGT GGA GGA CAT ACT TTA CCC TAT GAC CAG CCT CTG AGA GCT					
V I I R G G G H T L P Y D Q P L R A					
1467	1476	1485	1494	1503	1512
TTT GAC ATG ATT AAT CGA TTC ATT TAT GGA AAA GGA TGG GAT CCT TAT GTT GGA					
F D M I N R F I Y G K G W D P Y V G					

FIGURE 1D

1521	1530	1539	1548	1557	1566
TAA ACT ACC TTC CCA AAA GAG AAC ATC AGA GGT TTT CAT TGC TGA AAA GAA AAT					
1575	1584	1593	1602	1611	1620
CGT AAA AAC AGA AAA TGT CAT AGG AAT AAA AAA ATT ATC TTT TCA TAT CTG CAA					
1629	1638	1647	1656	1665	
GAT CTT TTT CAT CAA TAA AAA TTA TCC TTG AAA CAA AAA AAA GAA AAA G 3'					

FIGURE 1E

1	MV	-	-	-	GAMWKV	IV	SV	LL	MP	GP	CD	GL	-	-	-	FHSLY	RS	V	SEQ ID NO:1
1	MV	-	-	-	GAMWKV	IV	SV	LL	MP	GP	CD	GL	-	-	-	FHSLY	RS	V	SEQ ID NO:3
1	MV	-	-	-	GAMWKV	IV	SV	LL	MP	GP	CD	GL	-	-	-	FHSLY	RS	V	SEQ ID NO:5
1	MV	-	-	-	-	KFHLLV	-	LI	AF	TC	YT	CS	DA	TL	WN	PK	LR	GS	GI 1718107
1	MI	RA	AP	PL	FL	LL	LL	LL	LL	VS	-	-	-	-	WA	-	-	RG	GI 190283
32	SM	PK	-	-	GDSGQP	PL	FL	TP	YI	EAGK	IQ	KGRE	LS	-	-	-	-	-	SEQ ID NO:1
32	SM	PK	-	-	GDSGQP	PL	FL	TP	YI	EAGK	IQ	KGRE	LS	-	-	-	-	-	SEQ ID NO:3
32	SM	PK	-	-	GDSGQP	PL	FL	TP	YI	EAGK	IQ	KGRE	LS	-	-	-	-	-	SEQ ID NO:5
34	AS	PP	RP	GE	SG	EP	LF	TL	PL	QD	GK	IE	EA	RN	KA	RV	NH	-	GI 1718107
28	AP	-	-	-	-	-	-	-	-	DQ	DE	IQ	RL	PG	LA	KQ	PS	-	GI 190283
71	-	MK	SY	AD	FL	TV	NK	TY	NS	NL	FF	FW	FP	PA	QI	QP	ED	AP	SEQ ID NO:1
71	-	MK	SY	AG	FL	TV	NK	TY	NS	NL	FF	FW	FP	PA	QI	QP	ED	AP	SEQ ID NO:3
55	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	SEQ ID NO:5
73	SV	ES	YS	SG	MT	VD	AK	HN	SN	NL	FF	FW	YV	PA	KN	NR	EQ	AP	GI 1718107
48	-	RQ	YS	GY	LL	-	-	KSSG	SK	HL	HY	WF	VE	SQ	KD	PE	NS	PS	GI 190283
110	GE	PG	GS	SM	FG	LF	VE	HG	PP	YV	VT	SN	-	MT	LR	DR	DF	PW	SEQ ID NO:1
110	GG	PG	GS	SM	GL	LF	VE	HG	PP	YV	VT	SN	-	MT	LR	DR	DF	PW	SEQ ID NO:3
55	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	SEQ ID NO:5
113	GG	PG	AS	SL	FG	MF	EN	GP	FF	HI	HR	NK	SV	KQ	RE	YS	SW	HQ	GI 1718107
84	GG	PG	CS	SL	DG	LL	TE	HG	PP	LV	QP	DG	VT	LE	YN	PY	SW	NL	GI 190283

FIGURE 2A

149	L	Y	I	D	N	P	V	G	T	G	F	S	F	T	D	D	T	H	G	Y	A	V	N	E	D	D	V	A	R	D	L	Y	S	A	L	I	Q	F	F	Q	SEQ ID NO:1				
149	L	Y	I	D	N	P	V	G	T	G	F	S	F	T	D	D	T	H	G	Y	A	V	N	E	D	D	V	A	R	D	L	Y	S	A	L	I	Q	F	F	Q	SEQ ID NO:3				
55	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	SEQ ID NO:5							
152	I	Y	I	D	N	P	V	G	T	G	F	S	F	T	D	S	D	E	G	Y	S	T	N	E	H	V	G	E	N	L	M	K	F	I	Q	F	F	V	GI 1718107						
124	L	Y	L	E	S	P	A	G	V	G	F	S	Y	S	D	D	K	F	-	Y	A	T	N	D	T	E	V	A	Q	S	N	F	E	A	L	Q	D	F	R	GI 190283					
189	I	F	P	E	Y	K	N	N	D	F	Y	V	T	G	E	S	Y	A	G	K	Y	V	P	A	I	A	H	L	I	H	S	L	N	P	V	R	E	V	K	I	SEQ ID NO:1				
189	I	F	P	E	Y	K	N	N	D	F	Y	V	T	G	E	S	Y	A	G	K	Y	V	P	A	I	A	H	L	I	H	S	L	N	P	V	R	E	V	K	I	SEQ ID NO:3				
64	I	F	P	E	Y	K	N	N	D	F	Y	V	T	G	E	S	Y	A	G	K	Y	V	P	A	I	A	H	L	I	H	S	L	N	P	V	R	E	V	K	I	SEQ ID NO:5				
192	L	F	P	N	L	K	H	P	F	Y	I	S	G	E	S	Y	G	K	F	V	P	A	F	G	Y	A	I	H	-	-	N	S	Q	S	Q	P	K	I	GI 1718107						
163	L	F	P	E	Y	K	N	N	K	L	F	L	T	G	E	S	Y	A	G	I	Y	I	P	T	L	A	V	L	V	-	-	-	-	-	-	-	-	-	M	Q	D	P	S	M	GI 190283
229	N	L	N	G	I	A	I	G	D	G	Y	S	D	P	E	S	I	I	G	G	Y	A	E	F	F	L	Y	Q	I	G	L	L	D	E	K	Q	K	K	Y	F	Q	SEQ ID NO:1			
229	N	L	N	G	I	A	I	G	D	G	Y	S	D	P	E	S	I	I	G	G	Y	A	E	F	F	L	Y	Q	I	G	L	L	D	E	K	Q	K	K	Y	F	Q	SEQ ID NO:3			
104	N	L	N	G	I	A	I	G	D	G	Y	S	D	P	E	S	I	I	G	G	Y	A	E	F	F	L	Y	Q	I	G	L	L	D	E	K	Q	K	K	Y	F	Q	SEQ ID NO:5			
230	N	L	Q	G	L	A	I	G	D	G	Y	T	D	P	L	N	Q	L	N	-	Y	G	E	Y	L	Y	E	L	G	L	I	D	L	N	G	R	K	K	F	D	GI 1718107				
198	N	L	Q	G	L	A	V	G	N	G	L	S	S	Y	E	Q	N	D	N	S	L	V	F	A	Y	H	G	L	L	G	N	R	L	W	S	S	L	Q	GI 190283						
269	K	Q	C	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	N	W	F	E	A	F	E	I	L	D	K	L	L	-	D	G	D	L	T	S	D	P	S	SEQ ID NO:1					
269	K	Q	C	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	N	W	F	E	A	F	E	I	L	D	K	L	L	-	D	G	D	L	T	S	D	P	S	SEQ ID NO:3					
144	K	Q	C	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	N	W	F	E	A	F	E	I	L	D	K	L	L	-	D	G	D	L	T	S	D	P	S	SEQ ID NO:5					
269	E	D	T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	D	M	N	S	A	N	R	L	I	Q	G	L	F	-	D	G	-	L	D	G	Q	E	S	GI 1718107					
238	T	H	C	C	S	Q	N	K	C	N	F	Y	D	N	K	D	L	E	C	V	T	N	L	Q	E	V	A	R	I	V	G	N	S	G	L	N	I	Y	N	L	GI 190283				

FIGURE 2B

304	Y F Q N V T G C S N Y Y N F L R C T E	-	P E D Q L Y Y V K F L S L P E V R Q A	-	SEQ ID NO:1		
304	Y F Q N V T G C S N Y Y N F L R C T E	-	P E D Q L Y Y V K F L S L P E V R Q A	-	SEQ ID NO:3		
179	Y F Q N V T G C S N Y Y N F L R C T E	-	P E D Q L Y Y V K F L S L P E V R Q A	-	SEQ ID NO:5		
303	Y F K K V T G C F S S Y Y N F I K G D E	E	S K Q D S V L M E F L S N P E V R K G	-	GI 1718107		
278	Y A P C A G V P S H F R Y E K D T V V V Q D	L G N I F T R L P L	K R M W H Q A	GI 190283			
342	-	I H V G N Q T F N D G	-	I V E K Y L R E	-	D T V Q S V K	SEQ ID NO:1
342	-	I H V G N Q T F N D G	-	I V E K Y L R E	-	D T V Q S V K	SEQ ID NO:3
217	-	I H V G N Q T F N D G	-	I V E K Y L R E	-	D T V Q S V K	SEQ ID NO:5
342	-	I H V G E L P F H D S	-	D G H N K V A E M L S E	-	D T L D T V A	GI 1718107
318	L L R S G D K V R M D P P C T N T T A A S T Y L	N N P Y V R K A L N I P E Q L P			GI 190283		
369	P W	-	T E I M	-	N N Y K V L I Y N G		SEQ ID NO:1
369	P W	-	T E I M	-	N N Y K V L I Y N G		SEQ ID NO:3
244	P W	-	T E I M	-	N N Y K V L I Y N G		SEQ ID NO:5
372	P W	-	V S K L L	-	S H Y R V L F Y N G		GI 1718107
358	Q W	D M C N F L V N L Q Y R R L Y R S M N S Q Y L K L L S S Q K Y Q I L L Y N G			GI 190283		
386	Q L D I I V A A A L T E R S L M G M D W K G S Q E E Y K K A E	-	K K	-	V W K I	-	SEQ ID NO:1
386	Q L D I I V A A A L T E R S L M G M D W K G S Q E E Y K K A E	-	K K	-	V W K I	-	SEQ ID NO:3
261	Q L D I I V A A A L T E R S L M G M D W K G S Q E E Y K K A E	-	K K	-	V W K I	-	SEQ ID NO:5
389	Q L D I I C A Y P M T V D F L M K M P F D G D S E Y K R A N	-	R E	-	-	-	GI 1718107
398	D V D M A C N	-	F M G D E W F V D S L N Q K M E	V Q R R P W	L V K Y	GI 190283	

FIGURE 2C

424	-	K	S	D	S	G	V	A	G	Y	I	R	Q	V	G	D	F	H	Q	V	I	I	R	G	G	G	H	T	L	P	Y	D	Q	P	L	R	A	F	D	M	SEQ ID NO:1
423	-	K	S	D	S	E	V	A	G	Y	I	R	Q	V	G	D	F	H	Q	V	I	I	R	G	G	G	H	I	L	P	Y	D	Q	P	L	R	A	F	D	M	SEQ ID NO:3
298	-	K	S	D	S	E	V	A	G	Y	I	R	Q	V	G	D	F	H	Q	V	I	I	R	G	G	G	H	I	L	P	Y	D	Q	P	L	R	A	F	D	M	SEQ ID NO:5
423	-	R	V	D	G	E	I	A	G	Y	K	K	R	A	G	R	L	Q	E	V	L	I	R	N	A	G	H	M	V	P	R	D	Q	P	K	W	A	F	D	M	GI 1718107
431	G	D	S	G	E	Q	I	A	G	F	V	K	E	F	S	H	I	A	F	L	T	I	K	G	A	G	H	M	V	P	T	D	K	P	L	A	A	F	T	M	GI 190283
463	I	N	R	F	I	Y	G	K	G	W	D	P	Y	V	G																									SEQ ID NO:1	
462	I	N	R	F	I	Y	G	K	G	W	D	P	Y	V	G																								SEQ ID NO:3		
337	I	N	R	F	I	Y	G	K	G	W	D	P	Y	V	G																							SEQ ID NO:5			
462	I	T	S	F	T	H	K	N	-	-	-	-	Y	L																								GI 1718107			
471	F	S	R	F	L	N	K	-	-	-	Q	P	Y																									GI 190283			

FIGURE 2D